



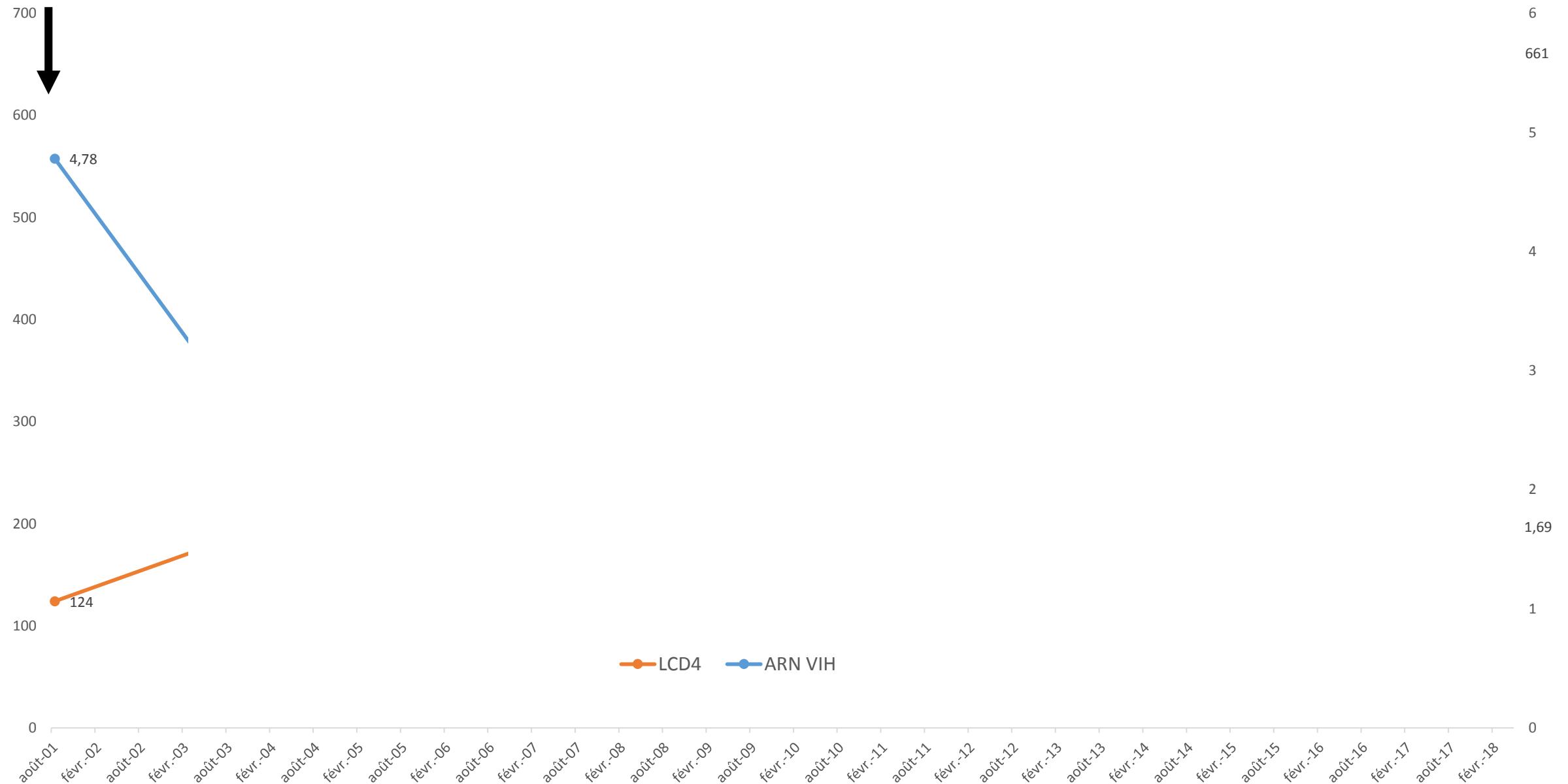
Cas clinique

S Dargère, Caen

Femme de 52 ans

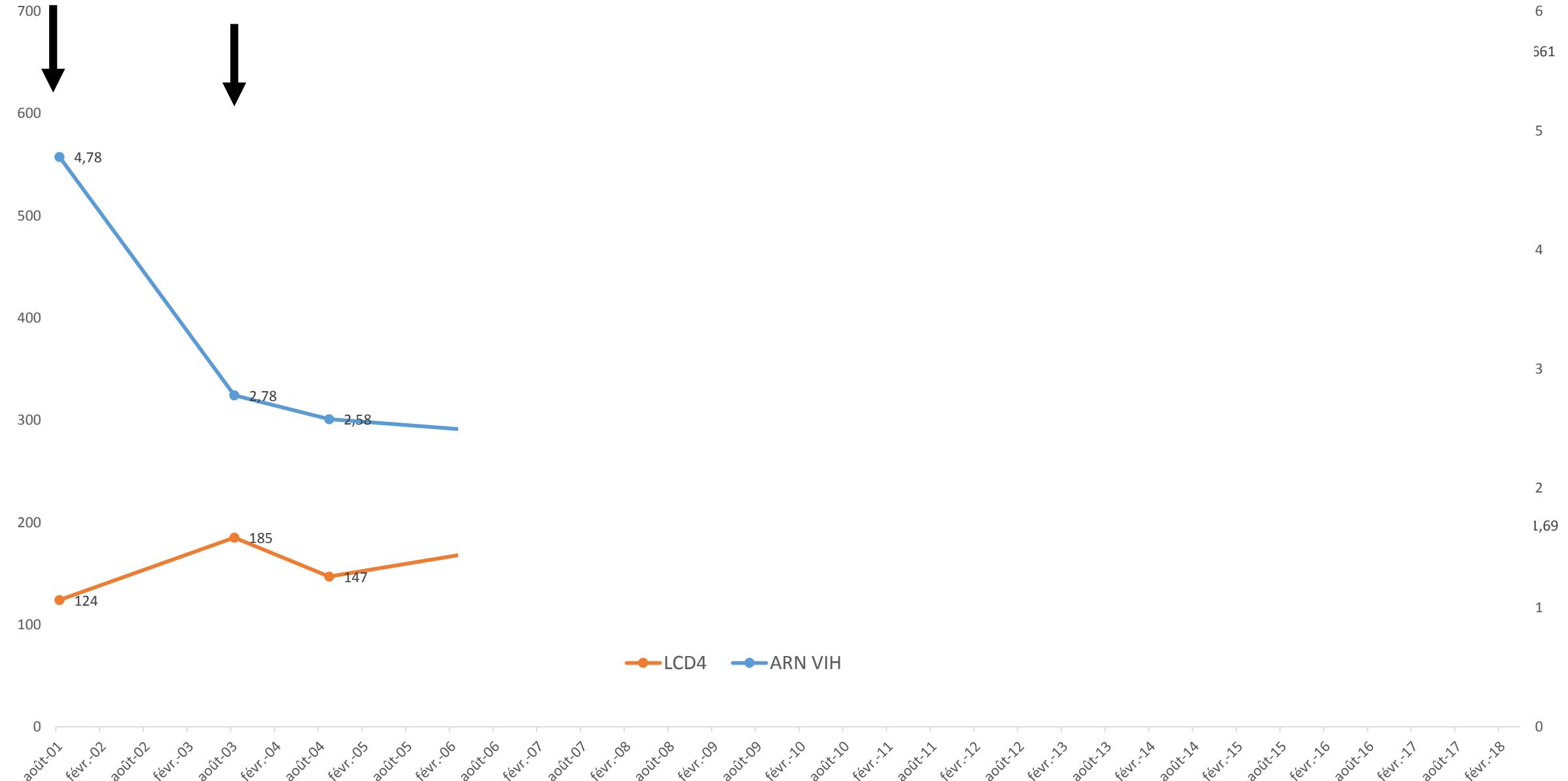
- ATCD
 - Sérologie VIH découverte en juillet 2001 (CDC B)
 - Leucoplasie chevelue
 - Tabagisme actif
 - VHB: négatif
 - VHC: négatif
 - CMV: négatif
 - Toxoplasmose: négatif
 - TPHA/VDRL: négatif
 - HLA B5701: négatif

AZT/3TC
nelfinavir



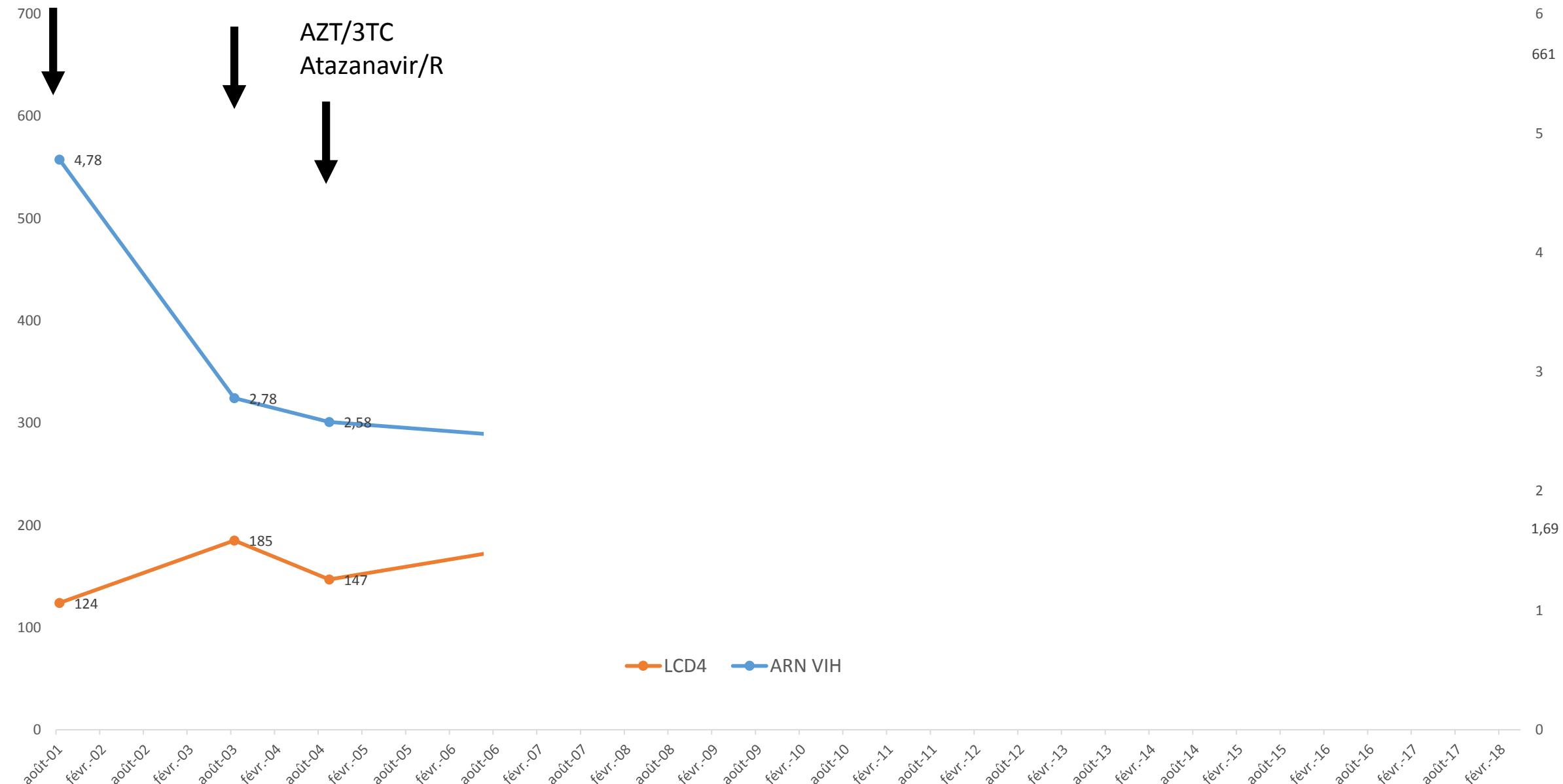
AZT/3TC
Nelfinavir

AZT/3TC
Névirapine



AZT/3TC
nelfinavir

AZT/3TC
Névirapine



2007

CV=265 copies/ml

Mutations de résistance sur le gène de la RT:

K65R

M184

G190A

Mutation de résistance sur le gène de la protéase

L10F

L24I

M46I

F53L

I62V

L63P

A71T

V77I

I84V

Charge virale plasmatique: **265 cp/mL**

Sous-typage VIH : **Sous-type B**

Date du rapport : **07/06/07**

Trousse utilisée : Trugene HIV-1 (Bayer)

Selon l'algorithme de juillet 2006

Mutations associées au gène de la REVERSE TRANSCRIPTASE : K65R, M184V, G190A

Inhibiteurs Nucléosidiques de la RT

Interprétation des Résistances

Zidovudine, ZDV	Pas d'évidence de Résistance
Lamivudine, 3TC/FTC	Résistance
Didanosine, ddI	Résistance Possible
Stavudine, d4T	Pas d'évidence de Résistance
Abacavir, ABC	Résistance Possible
Tenofovir, TDF	Résistance

Inhibiteurs Non Nucléosidiques de la RT

Interprétation des Résistances

Efavirenz, EFV	Résistance
Nevirapine, NVP	Résistance
Etravirine, ETV	Pas d'évidence de Résistance

Mutations associées au gène de la PROTEASE : L10F, L24I, M46I, F53L, I62V, L63P, A71T, V77I, I84V

Inhibiteurs de la Protéase

Interprétation des Résistances

Indinavir, IDV	Résistance
Saquinavir/Ritonavir, SQV/RTV (1000/100 mg)	Résistance
Nelfinavir, NFV	Résistance
Amprenavir/Ritonavir, fosAPV/RTV (700/100 mg)	Pas d'évidence de Résistance
Lopinavir, LPV/r	Résistance Possible
Atazanavir, ATV/r (300/100 mg)	Résistance
Tipranavir/Ritonavir, TPV/RTV (500/200mg)	Pas d'évidence de Résistance
Darunavir/Ritonavir, DRV/RTV (600/100 mg)	Pas d'évidence de Résistance

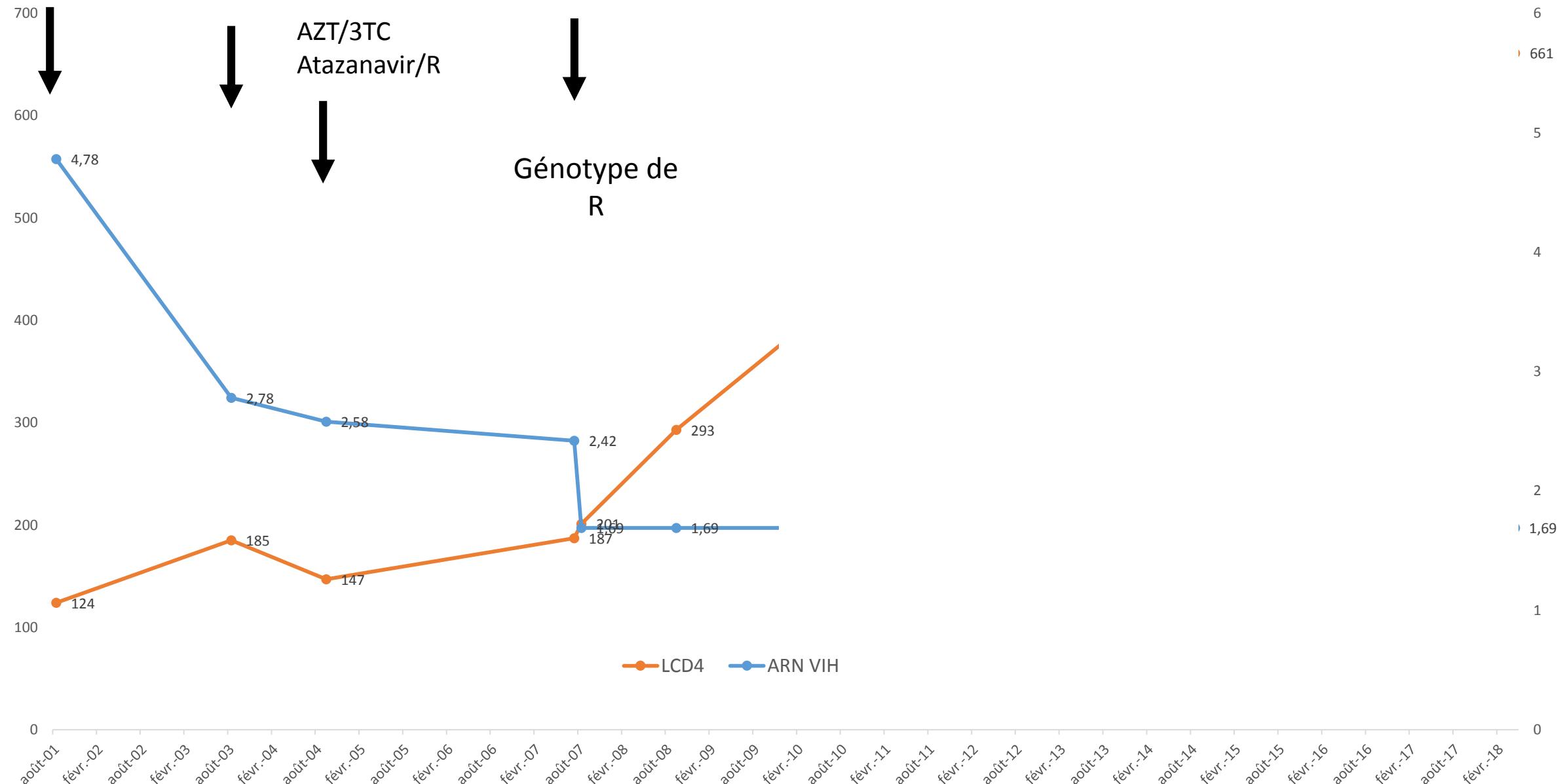
Numéro de l'échantillon : 2719-3120
Charge Virale: 265 cp/mL
Analyste: GeneObjects User
Date du rapport: Thu Jun 07 2007 08:34 AM

Mutations de résistance	Mutations silencieuses (pour toutes les positions)	Polymorphismes: Modifications de codons en dehors des sites de résistance	Mutations non attendues au niveau de sites de résistance
PR 28 (CTC) L10F (TTC) 70 (TTA) L24I (ATA) 136 (ATG) M46I (ATA) 157 (TTT) F53L (CTT) 184 (ATA) I62V (GTA) 187 (CTC) L63P/A (SCC) 211 (GCT) A71T (ACT) 229 (GTA) V77I (ATA) 250 (ATA) I84V (GTA)	PR 73 (GAT) D25D (GAY) 94 (GTA) V32V (GTM) ** 118 (GGA) G40G (GGG) 172 (CAG) Q58Q (CAA) ** 181 (CAG) Q61Q (CAA) 235 (CCT) P79P (CCC) 268 (TTG) L90L (TTA) ** RT 157 (GAA) E53E (GAR) 166 (TAC) Y56Y (TAT) 169 (AAT) N57N (AAC) 172 (ACT) T58T (ACC) 283 (CCA) P95P (CCR) 289 (CCC) P97P (CCA) 391 (ACC) T131T (ACT) 460 (AAA) K154K (AAR) 601 (AAA) K201K (AAR) 610 (GAG) E204E (GAA) 619 (CAA) Q207Q (CAG) 682 (CTT) L228L (CTK)	PR 109 (AGT) S37N (AAT) 190 (ATA) I64V (GTA) 193 (GAA) E65D (GAC) 271 (ACT) T91A (GCT) RT 142 (TCA) S48T (ACA) 145 (AAA) K49K/R (ARA) 202 (AGT) S68N/S (ART) 244 (AAG) K82R (AGR) 247 (AGA) R83K/R (ARA) 268 (GTT) V90I (ATT) 364 (GAA) E122K (AAG) 367 (GAC) D123E (GAA) 484 (AGT) S162Y (TAC) 520 (CAA) Q174H(CAC) 529 (GAC) D177E (GAA) 586 (GGG) G196E (GAG) 598 (ACA) T200A (GCA) 631 (AGG) R211K (AAG) 640 (CTT) L214F (TTT) 730 (ATA) I244V (GTA)	PR 187 (CTC) L63P/A (SCC) 220 (ACA) T74S (TCA) 247 (AAC) N83S (AGC)
RT			

AZT/3TC
nelfinavir

AZT/3TC
Névirapine

Didanosine/Etravirine/
Darunavir/r (600/100x2)



Femme de 52 ans...au cours du temps

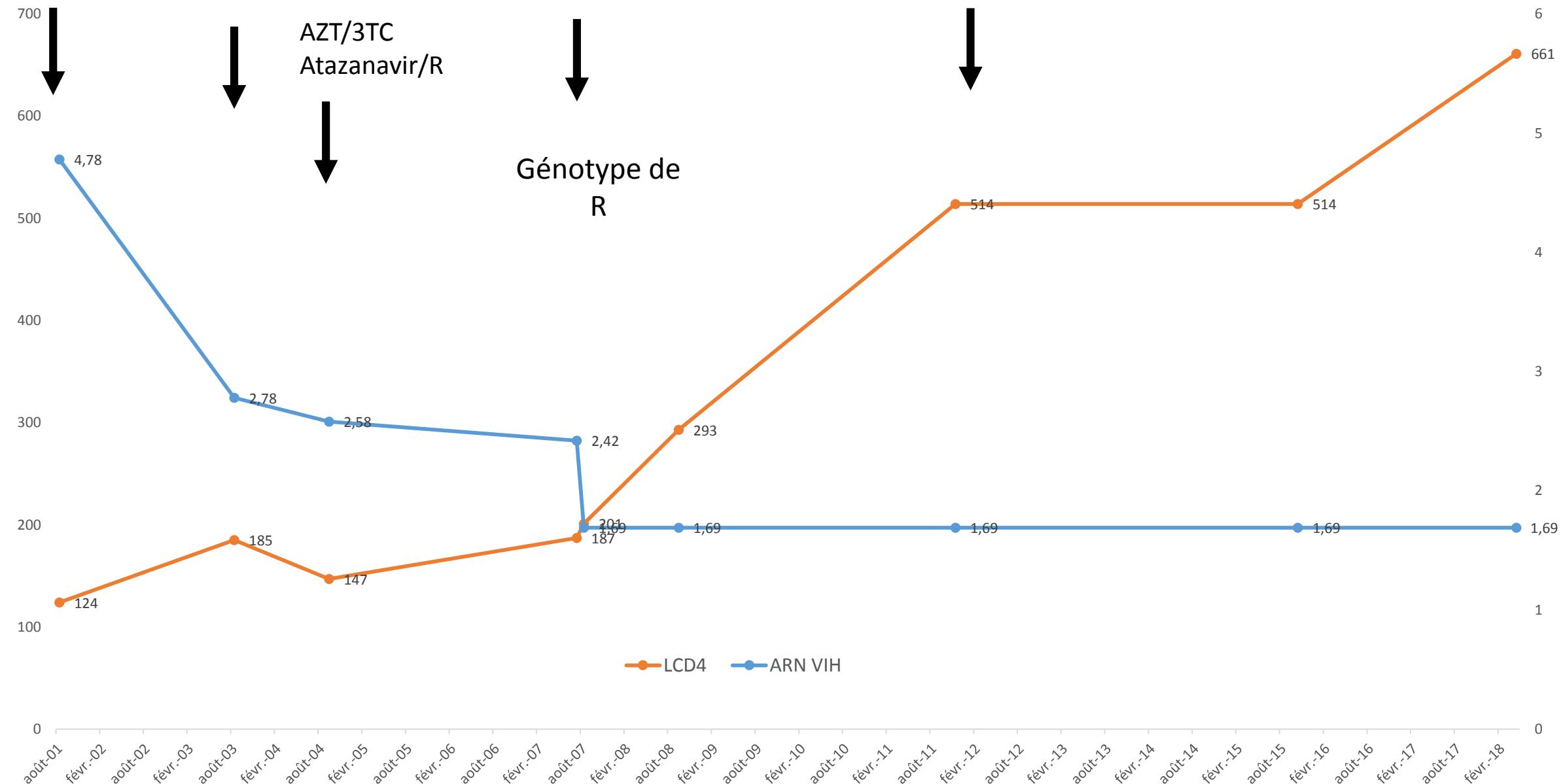
- Tabagisme actif
- Lipodystrophie mixte
- Diabète de type II
- Athérome carotidien

AZT/3TC
nelfinavir

AZT/3TC
Névirapine

Didanosine/Etravirine/
Darunavir/r (600/100x2)

Etravirine/Raltégravir
Darunavir/r (600/100x2)



Aujourd’hui

- Lipodystrophie stable
 - Tabagisme toujours actif
 - Beaucoup de plaintes fonctionnelles
 - Traitement: Etravirine/raltégravir/daru/r (600/100x2)
 - Kardegec, metformine, Vit D, refuse les statines
 - LCD4=661/mm³ (34%, CD4/CD8=1,2), charge virale VIH <30copies/ml
 - ADN proviral 3,04 Log
- Est demandeuse de moins de molécules et moins de comprimés

Simplification et/ou allègement?

- Etravirine/raltégravir/Daru/R (800/100)
- Génotype de R sur ADN?
- Etravirine/raltégravir?
- Dolu/rilpi?

ANRS - AC 11: RESISTANCE GROUP

GENOTYPE INTERPRETATION: NUCLEOSIDE AND NUCLEOTIDE REVERSE TRANSCRIPTASE INHIBITORS

	Mutations associated with resistance	Mutations associated with « possible resistance »
ZDV	<ul style="list-style-type: none"> T215A/C/D/E/G/H/I/L/N/S/V/Y/F [1, 2, 3, 4] At least 3 mutations among: M41L, D67N, K70R, L210W, K219Q/E [1, 2, 3, 4] Q151M Insertion at codon 69 	
3TC/FTC	<ul style="list-style-type: none"> K65R [8, 9, 11] M184V/I Insertion at codon 69 	<ul style="list-style-type: none"> Q151M
ABC	<ul style="list-style-type: none"> At least 3 mutations among: M41L, D67N, M184V/I, L210W, T215A/C/D/E/G/H/I/L/N/S/V/Y/F [5, 20] K65R [6, 8, 9, 24] L74V/I [16, 17, 18, 19, 20, 24] Y115F [24] Q151M Insertion at codon 69 	<ul style="list-style-type: none"> 2 mutations among: M41L, D67N, L210W, T215A/C/D/E/G/H/I/L/N/S/V/Y/F [5, 20] M184V/I [24]
TDF/TAF	<ul style="list-style-type: none"> At least 4 mutations among: M41L, E44D, D67N, T69D/N/S, L74V/I, L210W, T215A/C/D/E/G/H/I/L/N/S/V/Y/F [10, 12, 21, 25, 26] K65R/E/N [6, 7, 8, 9, 22, 23, 25, 26] Insertion at codon 69 K70E [13, 14, 15] 	<ul style="list-style-type: none"> 3 mutations among: M41L, E44D, D67N, T69D/N/S, L74V/I, L210W, T215A/C/D/E/G/H/I/L/N/S/V/Y/F [10, 21, 25, 26]

ANRS - AC 11: RESISTANCE GROUP
GENOTYPE INTERPRETATION: NON-NUCLEOSIDE REVERSE TRANSCRIPTASE INHIBITORS

	Mutations associated with resistance	Mutations associated with « possible resistance »
EFV	<ul style="list-style-type: none"> • L100I • K101E • K103H/N/S/T [1] • V106M [2] • E138K [12, 13] • Y181C/I • Y188C/L • G190A/C/E/Q/S/T/V • P225H • M230L 	
NVP	<ul style="list-style-type: none"> • A98S (for HIV-1 subtype C only) [3] • L100I • K101E • K103H/N/S/T [1] • V106A/M [2] • Y181C/I • Y188C/H/L • G190A/C/E/Q/S/T/V • M230L 	<ul style="list-style-type: none"> • E138K [13]
ETR	<ul style="list-style-type: none"> • At least 3 among: V90I, A98G, L100I, K101E/H/I/P/R, V106I, V179D/F/I/L/M/T, G190A/S, M230L [4, 7, 8, 9, 10, 11] • E138K [12, 13] • Y181C/I/V [5, 6] • H221Y [12,16] 	<ul style="list-style-type: none"> • 2 mutations among: V90I, A98G, L100I, K101E/H/I/P/R, V106I, V179D/F/I/L/M/T, G190A/S, M230L [4, 7, 8, 9, 10, 11] • E138A/G/Q/R/S [5, 6, 7, 8]
RPV	<ul style="list-style-type: none"> • K101E/P [9, 13] • E138A/G/K/Q/R/S [12, 13, 14] • V179L [9] • Y181C/I/V [13] • Y188L [9] • F227C [9] • H221Y [13] • M230I/L/V [9] • L100I + K103N/S [9, 15] • L100I + K103R + V179D [15] 	<ul style="list-style-type: none"> • V179D [9,15, 17]

DOR	<ul style="list-style-type: none"> • V106A [18, 19, 20, 21] • Y188L • G190S • M230L • K103N + Y181C • K103N + P225H 	<ul style="list-style-type: none"> • L100I + K103N [18, 20] • Y181C + G190A
-----	---	---

EFV: efavirenz, NVP: nevirapine, ETR: etravirine, RPV : rilpivirine, DOR : Doravirine.

For DNA provirus, Impact of stop codons and G to A mutations on ARV resistance is unknown

**ANRS - AC 11: RESISTANCE GROUP
GENOTYPE INTERPRETATION: PROTEASE INHIBITORS**

	Mutations associated with resistance	Mutations associated with « possible resistance »
LPV/r	<ul style="list-style-type: none"> At least 4 mutations among: L10F/I/R/V, K20M/R, L24I, L33F, M46I/L, I50V, F53L, I54M/L/T/V, L63P, A71I/L/V/T, V82A/F/S/T, I84V, L90M [1, 2, 3, 13] I47A [8, 9] L76V [11, 12] 	<ul style="list-style-type: none"> 3 mutations among: L10F/I/R/V, K20M/R, L24I, L33F, M46I/L, I50V, F53L, I54M/L/T/V, L63P, A71I/L/V/T, V82A/F/S/T, I84V, L90M [1, 2, 3, 13]
ATV/RTV 300/100 mg QD	<ul style="list-style-type: none"> I50L [4] N88S [20,21,22] At least 3 mutations among: L10F/I/V, G16E, L33F/I/V, M46I/L, D60E, A71V/T, I84V, I85V, L90M [5, 7, 14, 23] 	<ul style="list-style-type: none"> 2 mutations among: L10F/I/V, G16E, L33F/I/V, M46I/L, D60E, A71V/T, I84V, I85V, L90M [5, 7, 14, 23]
TPV/RTV 500/200 mg BID	<ul style="list-style-type: none"> At least a score of + 3*: M36I/L/V – F53L/W/Y + Q58E + H69I/K/N/Q/R/Y + L89I/M/R/T/V [6, 15] 	<ul style="list-style-type: none"> A score of + 2*: M36I/L/V – F53L/W/Y + Q58E + H69I/K/N/Q/R/Y + L89I/M/R/T/V [6, 15]
DRV/RTV** 600/100 mg BID	<ul style="list-style-type: none"> At least 4 mutations among: V11I, V32I, L33F, I47V, I50V, I54L/M, T74P, L76V, I84V, L89V [10, 16, 17, 18, 19] 	<ul style="list-style-type: none"> 3 mutations among: V11I, V32I, L33F, I47V, I50V, I54L/M, T74P, L76V, I84V, L89V [10, 16, 17, 18, 19]
800/100 mg QD	<ul style="list-style-type: none"> 2 mutations among: V11I, V32I, L33F, I47V, I50V, I54L/M, T74P, L76V, I84V, L89V [10, 16, 17, 18, 19] 	